

# Curriculum vitae

## Dati generali

## Istruzione e posizioni

- 1996: Laurea *con lode* in Informatica presso l'Università di Pisa, 1996. Relatore: Prof.F.Luccio.
- 1997-1998: DEA Informatique Fondamentale et Applications presso l' Università di Marne la Vallée , Francia.  
Stage presso l' Atelier de BioInformatique dell'Università di Parigi 6 .
- Ottobre 2000-Gennaio 2001: Visita al *Service d'Informatique Scientifique* dell'Istituto Pasteur , Parigi.
- 1998-2002: dottorato di ricerca in Informatica presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa.
- Ottobre 2001-Giugno 2002: borsa post-doc ERCIM presso INRIA Rhone Alpes , progetto HELIX .
- Agosto 2002-Agosto 2004: Assegnista di ricerca presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa.
- Dicembre 2003: Laurea *con lode* in Tecnologie dell'Informazione presso l'Università di Pisa.  
Relatore: Prof.F.Luccio.
- 2004-2005: Post-doc CNRS presso il *Laboratoire d'Informatique Paris Nord* dell'Università di Parigi 13.
- 2005: Assegnista di Ricerca presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa .
- 2006-2016: Assegnista di Ricerca presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa .
- Novembre 2006-giugno 2007: in maternità.
- settembre 2008-febbraio 2009: in maternità.
- Agosto 2012-luglio 2013: in congedo sabbatico presso LIACS , Leiden University , Paesi Bassi.
- Novembre 2012-luglio 2013: visita CWI ad Amsterdam, Paesi Bassi.
- 2016- : Professore Associato presso il Dipartimento di Informatica dell'Università di Pisa .

## Le lingue

- Italiano (lingua madre).
- Inglese (ottimo).
- Francese (molto buono).
- Olandese (principiante).

## Conferenze (su invito -- NON PIÙ AGGIORNATE --)

- Febbraio 1997: "DNA Computing: A Molecular Approach to Calculus" presso il Dipartimento di Matematica, Università di Pisa.
- Ottobre 1998: "Uno studio delle duplicazioni di geni utilizzando grafici" presso LIACS , Leiden University, Paesi Bassi.
- Gennaio 1999: "Duplicazione di geni e grafi casuali" presso il Dipartimento di Matematica, Università di Pisa.

- Febbraio 1999: "DNA Computing: un nuovo paradigma computazionale che utilizza le molecole". Relazione su invito al convegno della SILFS (Società Italiana di Logica e Filosofia della Scienza), tenutosi a Cesena, Febbraio 1999.
- Marzo 1999: "Duplicazione di geni e grafi casuali" presso il Computer and Automation Research Institute dell'Accademia Ungherese delle Scienze, Budapest, Ungheria.
- Aprile 1999: "Grafi aleatori nello studio di duplicazioni", Domus Galilaeana, Pisa.
- Maggio 1999: "Computational power of biomolecules: an overview on experiments and results", Università di Opava, Repubblica Ceca.
- Novembre 2000: "Sulla distanza sintenica tra genomi" presso l' Institut Garpard Monge , Università di Marne la Vallée , Francia.
- Dicembre 2000: "Sulla distanza sintenica tra i genomi", presso LIACS , Paesi Bassi.
- Maggio 2001: "Calcolare con il DNA", presso l'Università Federico II di Napoli, Italia.
- Marzo 2002: "La distanza sintenica tra genomi", alla ournée ALBIO , Montpellier, Francia.
- Maggio 2002: "Ottimizzazione di estrazione esatta di motivi strutturati in sequenze biologiche", presso il SIA dell'Università "La Sapienza" di Roma, Italia.
- Ottobre 2002: "Accelerare l'estrazione di motivi strutturati", presso l' Istituto di Ricerca su Computer e Automazione dell'Accademia Ungherese delle Scienze, Budapest, Ungheria.
- Gennaio 2003: "A Basis for Repeated Motifs in Pattern Discovery and Text Mining", incontro del programma francese bioinformatique EPST 2002 Algorithms for Modeling and Inference Problems in Molecular Biology, Lione, Francia.
- Febbraio 2003: "A Basis for Repeated Motifs in Pattern Discovery and Text Mining", London Stringology day 2003 al King's College, Londra, Regno Unito.
- Settembre 2004: "Inferire motivi relazionali con un alfabeto denegerato", Atelier de Bioinformatique dell'Università Paris VI, Parigi, Francia.
- Febbraio 2005: "Inferire motivi relazionali con un alfabeto denegerato", London Stringology day 2005 al King's College, Londra, Regno Unito.
- Febbraio 2005: "Extraction de motifs relationnels répétés à partir d'un alphabet dégénéré", Laboratoire d'Informatique Paris Nord dell'Università Paris XIII, Parigi, Francia.
- Aprile 2005: "Inferenza incrementale di motivi relazionali con un alfabeto degenerato", Stringology 2005 Research Workshop della Israeli Science Foundation , Università di Haifa, Israele.
- Maggio 2005: "Motifs relationnels avec un alphabet dégénéré", presso l' Institut Garpard Monge , Università di Marne la Vallée , Francia.
- Novembre 2005: "NIMBUS: un filtro efficiente per allineamenti multipli", presso l' Instituto Gulbenkian de Ciencia , Lisboa, Portogallo.
- Maggio 2006: "Ed'Nimbus: A lossless filter for finding long multiple repeats with edit distance", Stringology 2006 Research Workshop of the Israeli Science Foundation , Università di Haifa, Israele.
- Febbraio 2008: "Accelerazione dell'inferenza di ripetizioni multiple con distanza di modifica limitata", London Algorithmic Workshop 2008 in onore del 60° compleanno del prof. Maxime Crochemore, King's College, Londra.
- Febbraio 2008: "Lossless Filter for Multiple Repeats with Bounded Edit Distance", meeting del progetto FIRB, Palermo.
- Giugno 2008: "Fast filter for Edit Distance", relazione su invito BioINF: teoria dell'informazione in genomica e proteomica tenutasi presso il Dipartimento di Matematica Applicata, Pisa.
- Gennaio 2010: "Accelerare gli allineamenti multipli locali", *seminario interno pranzo dottorato Mauriana Pesaresi* .
- Giugno 2010: "Uno strumento di allineamento locale per trovare ripetizioni multiple nelle sequenze di DNA", seminario Dagstuhl sulla *scoperta della struttura in biologia: motivi, reti e filogenesi* organizzato da Alberto Apostolico, Andreas Dress e Laxmi Parida.
- Ottobre 2011 "Inferenza di lunghe ripetizioni con indels", Workshop SPIRE sull'analisi dei dati biologici.
- Marzo 2012: "Il gruppo di Algoritmi e Strutture Dati dell'Università di Pisa", Numero 0 Giornata Toscana della Bioinformatica.
- Settembre 2012: "Polymorphisms and bubble detection in de Bruijn Graphs", Bioinformatica 1, Novartis Research Center, Siena.
- Ottobre 2012: "DNA polymorphisms and RNA-Seq alternative splicing blow Bubbles in de Bruijn Graphs", seminari CWI Life Science, Amsterdam, Paesi Bassi.

- Settembre 2013: "Bioinformatica", Laboratorio di Accelerazione della Conoscenza e ICT, Università di Pisa.
- Febbraio 2014: "Un algoritmo di programmazione dinamica per Haplotype Assembly", London Stringology Day, King's College London, UK.
- Marzo 2014: "Un algoritmo di programmazione dinamica per Haplotype Assembly of Future Generation Reads", Shonan Meeting, Tokyo, Giappone.
- Giugno 2014: "Un algoritmo di programmazione dinamica per Haplotype Assembly of Future-Generation Sequencing Reads", meeting annuale della Società Italiana di Bioinformatica (BITS), Roma, Italia.
- Dicembre 2014: "WhatsHap: Weighted Haplotype Assembly for Future-Generation Sequencing", Università di Roma 2, Roma.
- Gennaio 2015: "Fast and Accurate SNPs Phasing", IMT Lucca.
- Settembre 2015: "Risultati teorici e pratici su Haplotype Assembly", convegno del laboratorio nazionale CINI-InfoLife, Certosa di Calci (PI).
- Ottobre 2015: "Metodi e tool per l'assemblaggio di aplotipi", Glaxo-Novartis, Siena.
- Ottobre 2015: "Bioinformatica: i successi, le opportunita', e le sfide". InternetFestival 2015, Pisa.
- Maggio 2016: "Analisi dei dati genomici". Data Driven Innovation Open Summit, Roma.
- Giugno 2016: "Assemblea dell'aplotipo". INESC-ID, Instituto Superior Tecnico Lisboa, Portogallo.
- Luglio 2016: "Approcci di programmazione dinamica all'assemblaggio dell'aplotipo". Invitato Relatore alla conferenza Mathematical Foundations in Bioinformatics (MatBio 2016), Londra, Regno Unito.
- Luglio 2017: "Allineamenti (e altro) sul pan-genoma". Kick-off meeting del PRA Progetto *Metodologie informatiche avanzate per l'analisi di dati biomedici*, Pisa.
- Ottobre 2017: "Leggi mappatura su riferimento Pan-Genome". 6° BioinformatiHa (convegno annuale regionale di bioinformatica).
- Gennaio 2018: "Mappatura di lettura esatta e approssimativa sul genoma pan di riferimento". Workshop sugli algoritmi combinatori in bioinformatica, Milano, Italia.
- Maggio 2018: "Dottorato e questioni di genere : potenzialita', opportunita' e strategie", Università di Pisa.
- Luglio 2018: "UniPi Woman Scientific Career Database", CRUI, Roma.
- Ottobre 2018: "Bioinformatica". Università di Cusco, Perù.
- Ottobre 2018: "Algoritmi per l'analisi dei dati genomici @UniPi". GSK Vaccini Siena.
- Novembre 2018: "Il Comitato Unico di Garanzia per le pari opportunità :garantire i diritti di dottorande e dottorandi". PhDay Università di Pisa.
- Novembre 2018: "La carriera scientifica.. non e' roba per donne?". Meeting *L'ICT non e' roba da donne?*, Università di Pisa.
- Gennaio 2019: "Mapping Reads and Palindromic Decomposition on Pan-Genomi". CWI Amsterdam, Paesi Bassi.
- Febbraio 2019: "Analisi Dati Genomici presso il Dipartimento di Informatica UniPi". Colloquio sulla scienza dei dati 2019.
- Settembre-ottobre 2019: "Mapping Reads on a Pan-Genoma: Pattern Matching on Degenerate Texts". 1st Workshop on Computational Pan-Genomics (su invito), Bielefeld, Germania.
- Ottobre 2019: "Corrispondenza di pattern (approssimativa) in linea su testi e applicazioni degenerati". Invited Speaker al 14th Workshop on Compression, Text and Algorithms (WCTA), Segovia, Spagna.
- Dicembre 2019: "Bioinformatica", pitch introduttivo per (potenziali) dottorandi in Informatica dell'Università di Pisa.

## PC

- Membro del PC di Algorithms and Computational Methods for Biochemical and Evolutionary Networks ( [CompBioNets 2005](#) ).
- Membro del PC per il focus adjunct "Algorithms in Bioinformatics" presso ([NETTAB 2007](#)) .
- Membro del PC del Simposio Brasiliano di Bioinformatica (BSB 2007).
- Membro del PC di Algoritmi in Biologia Molecolare ([ALBIO 2008](#)) .

- Membro del PC del Simposio Brasiliano di Bioinformatica (BSB 2008) .
- Membro del Comitato Organizzatore della 19th International Conference on Combinatorial Pattern Matching (CPM 2008) ,  
tenutasi a Pisa dal 18 al 20 giugno 2008.
- Membro del Comitato di Programma di In Bio We Trust 2009 ,  
tenutosi ad Avignone (Francia) dal 9 all'11 dicembre 2009.
- PC Chair della Conferenza Information Technology on Bio- and Medical-Informatics (ITBAM 2010),  
tenutasi a Bilbao (Spagna) dal 30 agosto al 3 settembre 2010.
- Membro del PC of Fun with Algorithms (FUN 2010) ,  
tenutosi ad Ischia dal 2 al 4 giugno 2010.
- Membro del PC dell'8th ACS/IEEE International Conference on Computer Systems and Applications (AICCSA 2010) ,  
tenutasi ad Hammamet (Tunisia) dal 16 al 19 maggio 2010.
- Membro del PC scientifico del 21st Combinatorial Pattern Matching (CPM 2010) ,  
tenutosi a New York (USA) dal 21 al 23 giugno 2010.
- Membro del PC del 2nd International Workshop on Biological Knowledge Discovery and Data Mining (BIOKDD 2010) ,  
tenutosi a Bilbao (Spagna) dal 30 agosto al 3 settembre 2010.
- Membro del PC di In Bio We Trust 2010 ,  
svoltosi a Boston, USA, dal 1° al 3 dicembre 2010.
- Membro del PC della 1st IEEE International Conference on Computational Advances in Bio and Medical Sciences (ICCABS 2011)  
tenutasi a Orlando (Florida) dal 3 al 5 febbraio 2011.
- PC Chair della Conferenza Information Technology on Bio- and Medical-Informatics (ITBAM2011),  
tenutasi a Tolosa (Francia) dal 29 agosto al 2 settembre 2011.
- Workshop-Chair della Conferenza 18th International Symposium on String Processing and Information Retrieval (SPIRE 2011) ,  
tenutasi a Pisa (Italia) dal 17 al 21 ottobre 2011.
- Tutorials-copresidente dell'incontro annuale della Società Italiana di Bioinformatica (BITS 2011),  
tenutosi a Pisa (Italia) dal 20 al 22 giugno 2011.
- Membro del PC del 2nd International Workshop on Biological Knowledge Discovery and Data Mining (BIOKDD 2011) ,  
tenutosi a Tolosa (Francia) dal 29 agosto al 2 settembre 2011.
- Membro del PC scientifico dell'11th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2011) ,  
tenutosi a Saarbrücken (Germania) dal 5 al 7 settembre 2011.
- Membro del PC scientifico della 16th Annual International Conference on Research in Computational Molecular Biology ( RECOMB 2012 )  
tenutasi a Barcellona (Spagna) dal 21 al 24 aprile 2012.
- Membro del PC della 2nd IEEE International Conference on Computational Advances in Bio and Medical Sciences (ICCABS 2012)  
tenutasi a Las Vegas (Nevada) dal 23 al 25 febbraio 2012.
- Membro del PC della 3rd International Conference on Information Technology on Bio- and Medical-Informatics (ITBAM 2012)  
tenutasi a Vienna (Austria) dal 2 al 7 settembre 2012.
- Membro del PC dell'8th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2012)  
tenutosi a Dallas, Texas (USA) dal 21 al 23 maggio 2012.
- Membro del PC dell'International Symposium on Network Enabled Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (HI-BI-BI 2012)  
tenutosi a Istanbul, Turchia, il 27-28 agosto 2012.
- Membro del PC scientifico del 12th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2012)  
tenutosi a Ljubljana (Slovenia) dal 9 al 14 settembre 2012.

- Membro del PC della 23rd International Conference on Genome Informatics (GIW 2012), tenutasi a Tainan (Taiwan) dal 12 al 14 dicembre 2012.
- Membro del PC Scientifico del 2nd SPIRE Workshop on Algorithmic Analysis of Biological Data (WAABD 2012), Cartagena (Colombia), 2012.
- Membro del Technical PC della 5th International Conference on Bioinformatics, Biocomputational Systems and Biotechnologies (BIOTECHNO 2013), tenutasi a Lisbona, Portogallo, marzo 2013.
- Membro del PC del 9th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2013) tenutosi presso la University of North Carolina at Charlotte, (USA) dal 20 al 22 maggio 2013.
- Membro del Technical Program Committee della 5th International Conference on Creative Content Technologies (CONTENT 2013), tenutasi a Valencia, Spagna, maggio-giugno 2013.
- Membro del PC dell'International Symposium on Network Enabled Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (HI-BI-BI 2013) tenutosi a Niagara Falls, Canada, il 26-27 agosto 2013.
- Membro del Technical PC della 5th International Conference on Pervasive Patterns and Applications (PATTERNS 2013), tenutasi a Valencia, Spagna, maggio-giugno 2013.
- Membro del PC del 13th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2013) tenutosi a Sophia Antipolis (Francia) dal 2 al 4 settembre 2013.
- Membro del PC della 3rd IEEE International Conference on Computational Advances in Bio and Medical Sciences (ICCABS 2013) tenutasi a New Orleans (Louisiana) dal 12 al 14 giugno 2013.
- Membro del Technical PC dell'International Symposium on Network Analysis and Mining for Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (NET-HI-BI-BI 2013) tenutosi a Shanghai, Cina, 18-21 dicembre 2013.
- Membro del PC della 4th International Conference on Information Technology on Bio- and Medical-Informatics (ITBAM 2013) tenutasi a Praga, Repubblica Ceca, dal 27 al 30 agosto 2013.
- Membro del Technical PC della 6th International Conference on Bioinformatics, Biocomputational Systems and Biotechnologies (BIOTECHNO 2014), tenutasi a Chamonix, Francia, nell'aprile 2014.
- Membro del PC del 10th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2014) che si terrà a Zhangjiajie, Hunan (Cina) dal 12 al 15 giugno 2014.
- Membro del Technical PC della 6th International Conference on Pervasive Patterns and Applications (PATTERNS 2014), che si terrà a Venezia dal 25 al 29 maggio 2014.
- Membro del PC scientifico del 25° Combinatorial Pattern Matching (CPM 2014), che si terrà a Mosca (Russia) dal 16 al 18 giugno 2014.
- Membro del Technical PC della 6th International Conference on Creative Content Technologies (CONTENT 2014), che si terrà a Venezia dal 25 al 29 maggio 2014.
- Membro del PC della 5th International Conference on Information Technology on Bio- and Medical-Informatics (ITBAM 2014) che si terrà a Monaco di Baviera, Germania, dall'1 al 5 settembre 2014.
- Membro del PC della 4th IEEE International Conference on Computational Advances in Bio and Medical Sciences (ICCABS 2014) che si terrà a Miami (Florida) dal 2 al 4 giugno 2014.
- Membro del PC del 3rd International Symposium on Network Enabled Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (Hi-BI-BI 2014) tenutosi a Pechino, Cina, dal 18 al 19 agosto 2014.

- Membro del PC scientifico del 14th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2014) che si terrà a Wroclav (Polonia) dall'8 al 10 settembre 2014.
- Membro del PC Tecnico di CONTENT 2015. DIMESSO!
- Membro del PC Tecnico di PATTERN 2015. DIMESSO!
- Membro del PC dell'11th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2015), Norfolk, Virginia, (USA) dal 7 al 10 giugno 2015.
- Membro del PC scientifico della 16th Annual International Conference on Research in Computational Molecular Biology (RECOMB 2012) tenutasi a Barcellona (Spagna) dal 21 al 24 aprile 2012.
- Membro del PC del 22nd International Symposium on String Processing and Information REtrieval (SPIRE 2015), Londra (UK), 31 agosto-4 settembre 2015.
- Membro del PC del 4th International Symposium on Network Enabled Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (Hi-BI-BI 2015) tenutosi a Parigi, Francia, il 26-27 agosto 2015.
- Membro del PC Scientifico del 16° Convegno Italiano di Informatica Teorica (IC-TCS 2015), tenutosi a Firenze dal 9 all'11 settembre 2015.
- Membro del PC Scientifico del 15th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2015) che si terrà ad Atlanta, Georgia, (USA) dal 10 al 12 settembre 2015.
- Membro del PC della IEEE Conference on Information Reuse and Integration in Health Informatics (IEEE IRI-HI 2015) tenutasi a S.Francisco, California (USA), dal 13 al 15 agosto 2015.
- Membro del PC della 5th IEEE International Conference on Computational Advances in Bio and Medical Sciences (JCCABS 2015) che si terrà a Miami, Florida, (USA) dal 15 al 17 ottobre 2015.
- Membro del PC del 10th International Workshop on Algorithms and Computation (WALCOM 2016), Kathmandu (Nepal), 29-31 marzo 2016.
- Membro del PC del 5th International Symposium on Network Enabled Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (Hi BI BI 2016) tenutosi presso UC Davis (CA), USA, dal 19 al 20 agosto 2016.
- Membro del PC scientifico del 5th RECOMB Satellite Workshop on Computational Cancer Biology (RECOMB-CCB 2016) tenutosi a Los Angeles (CA), USA, dal 17 al 21 aprile 2016.
- Membro del PC scientifico del 16th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2016) tenutosi ad Aarhus (Danimarca) dal 22 al 24 agosto 2016.
- Membro del PC scientifico del 6th RECOMB Satellite Workshop on Massively Parallel Sequencing (RECOMB-Seq 2016) tenutosi a Los Angeles (CA), USA, dal 17 al 21 aprile 2016.
- Membro del PC del 12th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2016), tenutosi a Minsk (Bielorussia) dal 5 all'8 giugno 2016.
- Membro del PC della 7th International Conference on Information Technology on Bio- and Medical-Informatics (ITBAM 2016) tenutasi a Porto (Portogallo) dal 5 all'8 settembre 2016.
- Membro del PC della 6th IEEE International Conference on Computational Advances in Bio and Medical Sciences (JCCABS 2016) che si terrà presso il Georgia Institute of Technology, Atlanta, (Georgia, USA) dal 13 al 15 ottobre 2016.
- Membro del PC della 11th International Conference and Workshops of Algorithms and Computation (WALCOM 2017), Hsinchu (Taiwan), 29-31 marzo 2017.
- Membro del PC dell'8th International Conference on Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2017),

- Porto (Portogallo), 21-23 febbraio 2017.
- Membro del PC del 26° Combinatorial Pattern Matching (CPM 2017), Varsavia (Polonia), 4-6 luglio 2017.
  - Membro del PC del 13th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2017), tenutosi a Honolulu, Hawaii (USA) dal 30 maggio al 1 giugno 2017.
  - Membro del PC della 14th International Conference on Computational Intelligence methods for Bioinformatics and Biostatistics (CIBB 2017), tenutasi a Cagliari dal 7 al 9 settembre 2017.
  - Membro del PC del 6th International Symposium on Network Enabled Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (Hi BI BI 2017), tenutosi a Sydney, Australia, dall'1 al 3 agosto 2017.
  - Membro del PC scientifico del 17th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2017), tenutosi a Boston (USA) dal 21 al 24 agosto 2017.
  - Membro del PC della 7th IEEE International Conference on Computational Advances in Bio and Medical Sciences (ICABS 2017), tenutasi a Orlando (Florida, USA) dal 19 al 21 ottobre 2017.
  
  - Membro del PC della 9th International Conference on Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2018), Porto (Portogallo), 19-21 gennaio 2018.
  - Membro del PC della 9th International Conference on Fun with Algorithms (FUN 2018), La Maddalena (Italia) dal 13 al 15 giugno 2018.
  - Membro del PC del 14th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2018), tenutosi a Pechino (Cina) dall'8 all'11 giugno 2018.
  - Membro del PC del 9th International Workshop on Biological Knowledge Discovery from Big Data (BIOKDD 2018), tenutosi a Regensburg (Germania) dal 3 al 6 settembre 2018.
  - Membro del PC della 5th International Conference on Computational Intelligence methods for Bioinformatics and Biostatistics (CIBB 2018), assistenza a Coparica (Portogallo) dal 6 all'8 settembre 2018.
  - Membro del PC del 7th International Symposium on Network Enabled Health Informatics, Biomedicine and Bioinformatics (Hi BI BI 2018), tenutosi a Barcellona (Spagna) dal 28 al 31 agosto 2018.
  
  - Membro del PC della 10th International Conference on Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2019), Praga (Repubblica Ceca), 22-24 febbraio 2019.
  - PC Chair della 30th International Conference on Combinatorial Pattern Matching (CPM 2019), Pisa (Italia), 18-20 giugno 2019.
  - PC Chair del 30th International Workshop On Combinatorial Algorithms (IWOCA 2019), Pisa (Italia), 23-25 luglio 2019.
  - Membro del PC del 19th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2019) tenutosi a Niagara Falls (NY,USA) dall'8 al 10 settembre 2019.
  - Membro del PC del 15th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (RECOMB 2012) tenutosi a Barcellona (Spagna) dal 21 al 24 aprile 2012.
  - Membro del PC del 19th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2019), tenutasi a Barcellona (Spagna) dal 3 al 6 giugno 2019.
  - Membro del PC dell'International Conference on Computational Science (ICCS 2019), tenutasi a Faro (Portogallo) dal 12 al 14 giugno 2019.
  
  - Membro del PC della 46th International Conference on Current Trends in Theory and Practice of Computer Science (SOFSEM 2020), tenutasi a Limassol (Cipro) dal 20 al 24 gennaio 2020.

- Membro del PC della 11th International Conference on Bioinformatics Models, Methods and Algorithms (BIOINFORMATICS 2020), tenutasi a La Valletta (Malta) dal 24 al 26 febbraio 2020.
  - Membro del PC del 16th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2020), tenutosi a Mosca (Russia) dal 1 al 4 giugno 2020.
  - Membro del PC del 16th International Symposium on Experimental Algorithms (SEA 2020), tenutosi a Catania (Italia) dal 16 al 18 giugno 2020.
  - PC Chair del 20th Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2020) tenutosi a Pisa (Italia) dal 7 al 9 settembre 2020.
  - Membro del PC della 1st International Conference on Reconciling Data Analytics, Automation, Privacy, and Security (RDAAPS 2020) tenutasi ad Hamilton (Ontario, Canada) dal 17 al 19 giugno 2020.
  - Membro del PC della 1st International Conference on Applied Bioinformatics (iABC 2020) tenutasi a Istanbul (Turchia) nei giorni 1-3 ottobre 2020.
  - Membro del PC della 21st Italian Conference on Theoretical Computer Science (ICTCS 2020) tenutasi a Ischia (Italia) dal 14 al 16 settembre 2020.
  - Membro del PC del 27th International Symposium on String Processing and Information Retrieval (SPIRE 2020) tenutosi a Orlando (Florida, USA) dal 13 al 15 ottobre 2020.
- 
- Membro del PC della 47th International Conference on Current Trends in Theory and Practice of Computer Science (SOFSEM 2021) tenutasi a Bolzano (Italia) dal 25 al 28 gennaio 2021.
  - Membro del PC del SIAM Symposium on Algorithm Engineering and Experiments (ALENEX 2021) tenutosi a Westin Alexandria Old Town (Virginia, USA) nei giorni 10-11 gennaio 2021.
  - Membro del PC del 46th International Symposium on Mathematical Foundations of Computer Science (MFCSS 2021) tenutosi a Tallinn (Estonia) dal 23 al 27 agosto 2021.
  - Membro del PC della 3rd International Conference on Computational Science (ICCS 2021), tenutasi a Cracovia (Polonia) dal 16 al 18 giugno 2021.
  - Membro del PC del 21st Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2021) tenutosi virtualmente in (USA) dal 2 al 4 agosto 2021.
  - Membro del PC del 17th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2021), tenutosi a Shenzhen (Cina) dal 26 al 28 novembre 2021.
  - Membro del PC del 28th International Symposium on String Processing and Information Retrieval (SPIRE 2021), tenutosi a Lille (Francia) dal 4 al 6 ottobre 2021.
- 
- Membro del PC del 33rd Annual Symposium of Combinatorial Pattern Matching (CPM 2022), tenutosi a Praga (Repubblica Ceca) dal 27 giugno al 29 giugno 2022.
  - Membro del PC della 17th International Conference of Computability in Europe (CiE 2022) tenutasi a Swansea (UK) dall'11 al 15 luglio 2022.
  - Membro del PC del 22nd Workshop on Algorithms in Bioinformatics (WABI 2022) tenutosi a Potsdam (Germania) dal 5 al 9 settembre 2022.
  - Membro del PC del 29th International Symposium on String Processing and Information Retrieval (SPIRE 2022), tenutosi a Concepción (Cile) dall'8 al 10 novembre 2022.
  - Membro del PC del 18th International Symposium on Bioinformatics Research and Applications (ISBRA 2022), tenutosi ad Haifa (Israele) dal 14 al 17 novembre 2022.



- Membro del PC scientifico della 27th Annual International Conference on Research in Computational Molecular Biology ( [RECOMB 2023](#) )  
tenutasi a Istanbul (Turchia) dal 16 al 19 aprile 2023.

